

МОЛЕКУЛЯРНО-ГЕНЕТИЧЕСКИЕ ИССЛЕДОВАНИЯ ЖЕНЩИН УЗБЕКИСТАНА С ПРЕДРАКОВЫМ СОСТОЯНИЕМ ШЕЙКИ МАТКИ

Ташкентская медицинская академия

Курбонова З.Ч., Цой Н.В., Сотволдиева Г., Зайнутдинова А.

На сегодняшний день вирусная гипотеза считается основной концепцией этиопатогенеза рака шейки матки (РШМ). Согласно этой гипотезе, вирус папилломы человека (ВПЧ) является главным экзогенным фактором, способствующим развитию рака шейки матки (РШМ). Влияние вирусных генов запускает опухолевый процесс, однако этого недостаточно для его прогрессирования. Инфицирование ВПЧ играет ключевую роль на ранних стадиях канцерогенеза шейки матки и является основным фактором, инициирующим последующие генетические изменения, которые ведут к образованию моноклональной популяции опухолевых клеток. На стадии, предшествующей опухолевому росту, могут возникать диффузные изменения, такие как дистрофия, атрофия, гиперплазия и дисплазия, которые нарушают структуру органов и функции эпителия. Дисплазия эпителия считается маркером начальных стадий злокачественного процесса, так как она характеризуется неспособностью клеток к нормальному процессу созревания. Большинство тканей с дисплазией содержат вирус папилломы человека (ВПЧ), который присутствует в виде инфекционных вирионов, а также в виде эписомальной или интегрированной ДНК. Одним из ключевых генетических событий, необходимых для развития опухоли, является инактивация опухолевых супрессорных генов. Наиболее распространенным механизмом этой инактивации является метилирование островков CpG в промоторных и регуляторных областях этих генов. Гиперметилирование генов, связанных с канцерогенезом, происходит на ранних стадиях опухолевого формирования и часто выявляется в различных предраковых состояниях. Гиперметилирование может служить молекулярным маркером для ранней диагностики, мониторинга и прогноза опухолей. Целью данной работы является изучение предраковых состояний шейки матки у женщин Узбекистана репродуктивного возраста и



прогнозирование развития рака шейки матки. Методы анализа, такие как ПЦР, секвенирование и выявление эпигенетических маркеров, позволяют обнаруживать онкогенные типы вируса папилломы человека (ВПЧ) и генетические изменения, предшествующие раку. Эти исследования помогают точно определить группы риска среди женщин репродуктивного возраста, что позволяет своевременно начать профилактическое лечение и снижает вероятность развития инвазивного рака шейки матки. Молекулярно-генетические исследования предраковых состояний шейки матки у женщин репродуктивного возраста являются важным инструментом ранней диагностики и профилактики злокачественных новообразований. Внедрение молекулярно-генетических тестов повышает эффективность скрининговых программ и улучшает прогноз для пациенток в этой возрастной группе

ИСПОЛЬЗОВАННАЯ ЛИТЕРАТУРА :

1. Козанченко А.В. (2006) Новые направления в диагностике и лечении микрокарциномы шейки матки. ,
2. Vermulen C., Sordanove E.S., Hoar N.I. (2007) Expression and genetic analysis of transporter associated with antigen processing in cervical carcinoma. ,
3. Свидинская Е.А. , Джибладзе Т.А. , Зуев В.М. (2010) Роль определения молекулярно-генетических маркеров в диагностике и прогнозировании течения заболеваний шейки матки.

